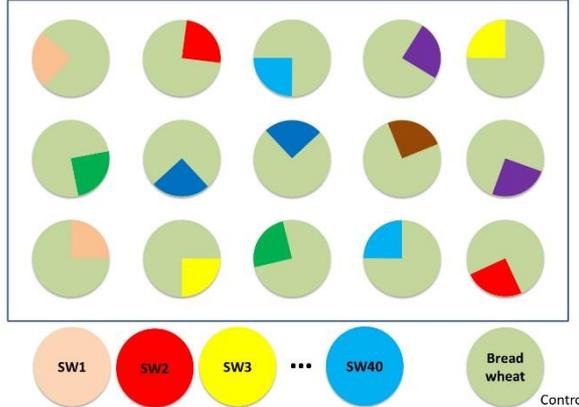


# 限界地プロジェクト

# 耕作限界地の環境に適応するコムギ品種開発のための近縁野生種の遺伝資源発掘

Gene mining of wild relatives to develop wheat varieties to adapt environment in agricultural marginal regions

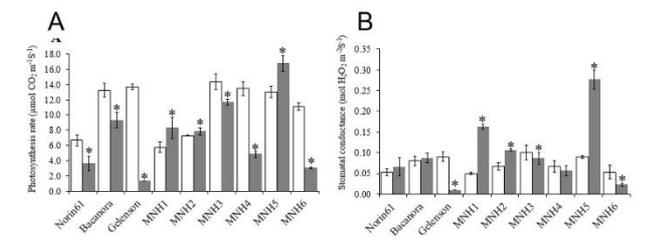
タルホコムギ(野生植物包含させた多重合成コムギ派生系統(MSD集団)の開発  
Development of MSD population with diversity



スーダンの高温区で耐性系統を現地育種家が選抜  
Selection of heat stress tolerant lines by breeder



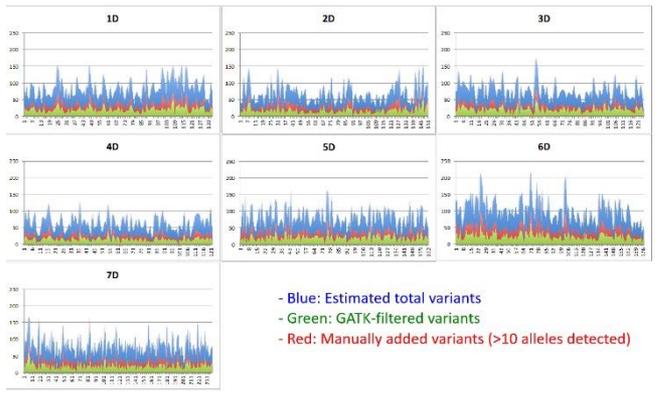
選抜系統を乾地研のデザートシミュレータで栽培し、ストレスによる生理反応を調査  
Physiological analysis of selected lines in desert simulators in ALRC



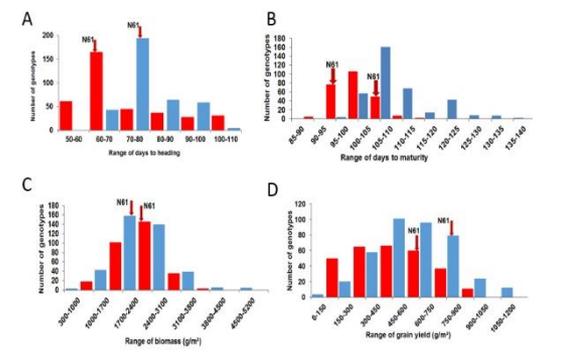
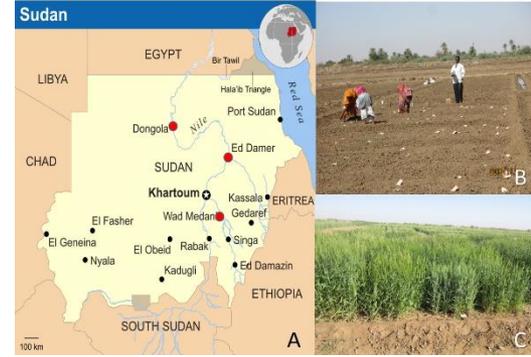
Elbashir et al. submitted

ランダムに選び、400の派生系統作成  
400 Derivative lines by random selection

タルホコムギの遺伝的多様性を大量のゲノムマーカーにより解明 Genomic analysis by markers



2015/16年スーダンの3試験場4処理区で高温耐性評価。さらに2016/17年、乾燥・塩・低リンストレス耐性評価



GWAS(ゲノムワイド関連解析)によるストレス耐性遺伝子座同定  
Identification of QTLs by GWAS

Elbashir et al. in preparation  
Gorafi et al. in preparation